

بررسی میزان شیوع ارلیشیا کنیس در سگ‌های خانگی شهر شیراز

نوروزی پور، م.^۱، ففافی، ح.آ.

دریافت: ۱۴۰۱/۰۴/۱۴ پذیرش: ۱۴۰۱/۱۱/۰۲

خلاصه

طی سال‌های اخیر اهمیت نسبت به تحقیق در مورد خانواده *Anaplasma* افزایش یافته است. در این خانواده جنس *erlichia* قرار دارد که باکتری‌های اجباری داخل سلولی و زئونوتیک می‌باشند. ناقلین اصلی این باکتری ها، کنه‌ها هستند که گونه‌های رایج کنه‌های سخت که عمدتاً در همه جای دنیا نیز وجود دارند؛ مانند کنه‌های *یکسودس*، *درماستور* و *ریپی سفالوس* که موجب گزش و آلودگی سگ و انسان می‌شوند. از این رو هدف از انجام مطالعه حاضر، بررسی میزان شیوع *erlichia* کنیس در سگ‌های خانگی شهر شیراز بود. جهت انجام این مطالعه، از بدن ۳۶ قلاده سگ آلوده به کنه که در خارج از منزل نگهداری می‌شدند، نمونه گیری انجام شد. در مرحله بعد، جداسازی DNA و آزمایش PCR باکیت تجاری صورت پذیرفت. نتایج IFAT نشان دهنده شیوع سرمی بسیار کم آنتی‌بادی‌های ضد *erlichia* کنیس (۳ قلاده سگ؛ ۱/۵ درصد) است. شیوع کنه *ریپی سفالوس سانگوئینوس* در جمعیت سگ‌های مورد مطالعه ۱۸ درصد (۳۶ قلاده سگ) گزارش گردید. براساس نتایج آزمون PCR مشخص گشت که ۱/۵ درصد (۳ نمونه) از ۲۰۰ نمونه مورد مطالعه از نظر گونه‌های *erlichia* مثبت بودند. در تحقیق حاضر هر ۳ عدد سگ آلوده، دارای کنه *ریپی سفالوس سانگوئینوس* بودند و در بررسی اسمیرهای خون محیطی سگ‌های مورد آزمایش مورولای *erlichia* کنیس در لنفوسیت‌ها دیده نشد. با توجه به اینکه برخی از گونه‌های ارلیشوز به عنوان زئونوزهای بالقوه مطرح هستند، بنابراین نقش سگ‌های آلوده به عنوان منابع بالقوه عفونت برای انسان، به دلیل جنبه‌های مشترک بین انسان و دام حائز اهمیت می‌باشد.

واژه‌های کلیدی: *erlichia* کنیس، کنه، *ریپی سفالوس*، PCR، IFAT

۱. دانش آموخته دکتری دامپزشکی، دانشگاه آزاد اسلامی، شوشتر، ایران.

۲. استادیار گروه میکروبیولوژی، گروه دامپزشکی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد کازرون، کازرون، ایران.

*نویسنده مسئول: norozipormino@gmail.com

ارلیشیوز سگ یکی از مهم‌ترین بیماری‌های عفونی سگ‌های اهلی و ولگرد بوده که توسط باکتری‌های درون سلولی گرم منفی ایجاد شده و مونوسیت‌ها را آلوده می‌کند. سگ‌ها، مخزن اصلی و کنه ریوی سفالوس سنگوئینوس (*Rhipicephalus sanguineus*) ناقل بندپا این بیماری هستند. این بیماری واجد پراکندگی جغرافیایی جهانی بوده، اما اطلاعات کمی در مورد میزان درصد آلودگی به ارلیشیوز در سگ‌های ایران وجود دارد. عامل ایجاد کننده این بیماری، باکتری ارلیشیا کنیس است. امروزه حیوانات خانگی به ویژه سگ‌ها، همدم انسان‌ها و هم‌بازی کودکان گردیده‌اند. در بسیاری از جوامع پیشرفته، حیوانات خانگی عضوی از خانواده محسوب می‌شوند و از حقوق و امکاناتی مشابه با افراد جامعه برخوردارند. از این رو، توجه به بیماری‌های سگ‌سانان، از لحاظ جنبه‌های فردی بیماری برای حیوانات خانگی و نیز به واسطه شیوع بیماری مشترک و خطرناکی بین انسان و حیوان اهمیت بسزایی دارد (اوجدچی و همکاران، ۲۰۱۹؛ چن و همکاران، ۲۰۱۴). بیماری عفونی ارلیشیوز که به نام‌های پن‌سایتونی سگ‌سانان نواحی گرم سیر، تب هموراژیک سگ‌سانان، بیماری سگ‌های مسابقه و شکاری و اختلال خونی نایروبی نیز شناخته می‌شود، نوعی بیماری ناقله توسط کنه‌ها می‌باشد که عامل آن، ریکتزایی داخل سلولی اجباری از خانواده ی آناپلازما تاسه به نام ارلیشیا کنیس است. این باکتری عامل ایجادکننده ارلیشیوز مونوسیتیک سگ‌سانان می‌باشد. این بیماری با تظاهرات بالینی مختلفی همچون تب، بی‌اشتهایی، تورم عقده‌های لنفاوی، لنگش و خونریزی بروز می‌کند (آمازان و همکاران، ۲۰۱۶). احتمال آلودگی به ارلیشیا کنیس، بدون وجود علائم بالینی، نیز وجود دارد. شیوع ارلیشیوز سگ‌سانان به میزان زیادی به گستره انتشار کنه ناقل که، عمدتاً در نواحی گرمسیر و نیمه گرمسیر است، بستگی دارد (لو و همکاران، ۲۰۲۱؛ ژانگ و همکاران، ۲۰۱۷؛ خو و همکاران، ۲۰۱۵). این کنه در نقاط مختلف ایران بسیار شایع است (متقی پیشه و همکاران، ۲۰۱۶؛ انصاری و همکاران، ۲۰۱۵). افزایش لنفوسیت‌های گرانولار با حضور ارلیشیا کنیس در این بیماری قابل مشاهده است. شایع‌ترین تغییرات بیوشیمیایی مشاهده شده در این بیماری عبارتند از: افزایش پروتئین، افزایش گلوبولین و افزایش آلبومین. نتایج آزمون آنتی بادی‌های ضد هسته‌ای در سگ‌ها، نشان‌دهنده این بود که تعداد پلاکت‌ها در

محدوده طبیعی بوده است و افزایش کدروت بافت بینابینی ریه (الگوی خطی خفیف تا شدید و افزایش کدورت اطراف برونش‌ها) دیده می‌شود (بريستاین رویز و همکاران، ۲۰۲۲). به طور تجربی، بیشترین میزان دفع پروتئین در ادرار طی دو و نیم تا سه و نیم هفته بعد از شروع عفونت رخ می‌دهد و ۶ هفته بعد از عفونت بهبود می‌یابد، در طی دوره اوج دفع پروتئین، نسبت پروتئین ادرار به کراتین ۲۳ به ۴/۵ ذکر شده بود (تیارا و همکاران، ۲۰۱۹؛ یو و همکاران، ۲۰۰۸). یکی از روش‌های تشخیص قطعی ارلیشیا، مشاهده مورولا در لوکوسیت‌های اسمیر خون و یا آسپیره‌های بافتی مثل طحال، ریه و غدد لنفاوی می‌باشد (سینز و همکاران، ۲۰۱۵). جسم اولیه ارگانیزم با تقسیم دوتایی در سلول‌های تک هسته‌ای (لنفوسیت، مونوسیت، ماکروفاژ) و ندرتاً در نوتروفیل‌ها تشکیل مورولا می‌دهد (مرین و همکاران، ۲۰۲۱). مورولا مرحله‌ای از سیکل زندگی ارلیشیا کنیس است که به صورت گنجیدگی داخل سیتوپلاسم چندشکلی (عمدتاً گرد تا بیضوی) در داخل گلبول‌های سفید مشاهده می‌گردد. یافتن مورولا سخت و وقت گیر بوده، اما ممکن است با استفاده از اسمیر بافی‌کوت و یا اسمیر لایه‌ی نازک خون از عروق لبه گوش امکان‌پذیر باشد. مورولا را می‌توان در مونوسیت‌های اسمیر خونی مشاهده کرد (اریاس و همکاران، ۲۰۱۳). مطالعه سیتولوژی خون محیطی، بافی‌کوت، آسپیره‌ی غدد لنفاوی، مغز استخوان، مایع مفصلی و ندرتاً در کشت خونی نشان داده است که جداسازی ارگانیزم در بافی‌کوت و آسپیره غدد لنفاوی از حساسیت بالایی برخوردار است. مورولا اغلب در لنفوسیت، نسبت به مونوسیت یافت می‌شود. پلاکت‌ها، گرانول‌های آزروفیل لنفوسیت و گنجیدگی فاگوسیتی همگی با گنجیدگی‌های ارلیشیا ممکن است اشتباه گردند (آگیار و همکاران، ۲۰۱۳). روش مشاهده میکروسکوپی، علاوه بر صرف وقت زیاد، نیازمند تجربه و مهارت بسیار زیاد است و موارد مثبت یا منفی کاذب بسیار محتمل می‌باشد. مورولا در برخی از بیماران در سلول‌های مایع مغزی-نخاعی شناسایی شده است (اصلان و همکاران، ۲۰۲۲؛ بزرا و همکاران، ۲۰۲۱). از این رو با توجه به اهمیت این بیماری؛ هدف از انجام مطالعه حاضر، بررسی میزان شیوع ارلیشیا کنیس در سگ‌های خانگی شهر شیراز بود.

مواد و روش

در این مطالعه، کلیه سگ‌هایی که در معاینات بالینی خود تاریخچه‌ی آلودگی به کنه داشتند جهت نمونه‌گیری انتخاب شدند. با توجه به گزارشات اولیه سرولوژیک و شواهد مولکولی مبنی بر حضور *ارلیشیا کنیس* در سگ‌های شهر شیراز، در این تحقیق در نظر گرفته شد. جهت تعیین وضعیت آلودگی به *ارلیشیا* از ۲۰۰ سگ که آلودگی به کنه داشته یا در گذشته سابقه کنه زدگی داشتند، ۷ میلی لیتر از ورید سفالیک یا سافن خون‌گیری انجام گردید. همچنین از بدن ۵۰ سگ آلوده به کنه که در خارج از منزل نگهداری می‌شدند، کنه برداشته شد و پس از ثبت مشخصات بیمار، جهت تشخیص گونه به آزمایشگاه انگل‌شناسی ارسال شدند. سپس کنه‌ها بر اساس گونه دسته‌بندی شده و در ظرف حاوی الکل ۷۰ درصد و در دمای ۴ درجه سانتی‌گراد قرار گرفتند. از مجموع ۷ میلی لیتر خون جمع‌آوری شده از ورید سفالیک یا سافن، ۲ میلی لیتر در لوله‌های حاوی ماده‌ی ضد انعقاد ریخته و مورد ارزیابی هماتولوژی از قبیل اندازه‌گیری درصد هماتوکریت، کاهش یا افزایش تعداد پلاکت‌ها، شمارش تعداد تام‌گلبول‌های سفید، شمارش تقریبی گلبول‌های سفید انجام گرفت. همچنین ۵ میلی لیتر از خون وریدی اخذ شده، در لوله‌های فاقد ماده‌ی ضد انعقاد جمع‌آوری گردید و در سانتیفریوژ با سرعت ۳۰۰۰ دور در دقیقه به مدت ۱۰ دقیقه قرار داده شد و سرم‌های جداسازی شده در فریزر منفی ۲۰ درجه‌ی سانتی‌گراد نگهداری شدند. پس از جمع‌آوری تمامی نمونه‌ها (از ۲۰۰ سگ خانگی) با استفاده از کیت تشخیصی *Leishmania Canis* (ساخت شرکت *Biotech* انگلستان) وضعیت آلودگی به ارگانسیم *ارلیشیا کنیس* مورد ارزیابی قرار گرفت.

ارزیابی سیتولوژی

پس از تهیه‌ی گسترش خونی بر روی لام، نمونه‌ها با الکل اتیلیک ۹۶ درصد به مدت ۲ دقیقه فیکس شده و پس از رنگ‌آمیزی با گیمسا با میکروسکوپ نوری و با بزرگ‌نمایی ۱۰۰× جهت شناسایی مورولاها در گلبول‌های سفید مورد بررسی قرار گرفتند.

جداسازی DNA

کنه‌های جدا شده تا زمان جداسازی DNA در یخچال نگهداری شدند. برای جداسازی DNA نمونه‌ها ابتدا از یخچال خارج شده و با آب مقطر شستشو داده شدند و

سپس داخل رک‌های مربوط به نمونه قرار داده شدند، سپس کنه‌های هر نمونه به صورت جداگانه در هاون کوبیده شدند و پوسته سخت کیتینی جدا گردید و محتویات بدن کنه‌ها باقی ماند. برای جداسازی DNA از کیت تجاری کیاژن (ساخت ایران) استفاده گردید.

انجام PCR

جهت بررسی وضعیت آلودگی به بیماری *ارلیشیا*، پس از ذوب شدن هر نمونه DNA ابتدا پپیتینگ (Pipetting) انجام شد. سپس از کیت سریع PCR (VeTeK) کره جنوبی (VeTeK EHR Detection Kit) استفاده گردید. ۲ میکرولیتر از نمونه DNA به میکروتیوب پیش‌آماده PCR اضافه گردید. سپس ۱۸ میکرولیتر آب فاقد DNase/RNase به هر میکروتیوب اضافه شد. در دو میکروتیوب به جای نمونه DNA به میزان ۲ میکرولیتر کنترل مثبت (Control positive) (DNA) از قبل در بانک ذخیره‌ای دانشگاه موجود بود) و در یکی دیگر ۲ میکرولیتر آب مقطر به عنوان کنترل منفی (Control negative) اضافه گشت. سپس میکروتیوب‌های آماده شده به دستگاه ترمال سایکلر (Thermal cycler) منتقل شده و بر اساس مشخصات ذکر شده در جدول ۱ مراحل PCR انجام گردید.

انجام الکتروفورز

برای تهیه یک لیتر TBE با غلظت ۵x، مقادیر مربوط به تریس و اسید بوریک در ۸۰۰ سی‌سی آب مقطر حل شد. سپس ۲۰ سی‌سی EDTA نیم مولار تهیه گردید و PH آن با NaOH به ۸ رسانده شد تا EDTA حل شود. محلول حاصل به ترکیب تریس و اسید بوریک اضافه شده و حجم آن‌ها به یک لیتر رسانده شد. پس از اینکه ترکیبات به طور کامل حل شدند، جهت تهیه ژل الکتروفورز و الکتروفورز محصولات PCR، بایستی غلظت ۱x آن را تهیه کرد. به همین منظور ۲۰۰ سی‌سی از TBE با غلظت ۵x برداشته شد و حجم آن به یک لیتر رسانده شد. با توجه به اندازه آمپلیکون‌ها، ژل آگارز ۲ درصد تهیه گردید، که برای این منظور ۲ گرم آگارز به ۱۰۰ سی‌سی بافر TBE اضافه گردید و به مدت ۵ دقیقه حرارت داده شد تا جوش آید. پس از تکان دادن مخلوط، رنگ کدر آن تبدیل به مخلوطی بی‌رنگ و زلال شد. در حین سرد شدن ۱۰ میکرولیتر اتیديوم بروماید (۱ gr/ml) در زیر هود شیمیایی به محلول اضافه گردید و خوب مخلوط شد تا

مخلول حاصل کاملاً یکنواخت گردد. سپس مخلوط حاصل، در زیر هود داخل قالب‌های مخصوص ژل الکتروفورز ریخته شد. با سفت و ژله‌ای شدن مخلوط، ژل آگارز آماده برای انجام الکتروفورز گردید. در پایان، فراوانی وقوع بیماری ارلیشیوز در سگ‌های مورد بررسی با استفاده از نرم افزار آماری SPSS نسخه ۲۶ محاسبه گردید.

نتایج

طبق بررسی‌های آماری انجام شده در این تحقیق، ۲۰۰ سگ مورد آزمایش قرار گرفتند؛ که از لحاظ جنسیت، ۱۸۰ سگ، نر و ۲۰ سگ، ماده در جمعیت مورد نمونه‌برداری وجود داشت. در جدول ۲ اطلاعات در رابطه با فراوانی نمونه‌ها بر اساس جنسیت آورده شده است. جمعیت مورد نمونه‌برداری از لحاظ سن، به ۴ گروه مختلف تقسیم بندی شد که شامل گروه کمتر از ۲ سال، گروه ۲ تا ۴ سال، گروه ۴ تا ۶ سال و گروه بیش از ۶ سال بودند. حیوانات مورد نمونه‌گیری در رده سنی ۶ ماه تا ۱۰/۵ سال قرار داشتند. در جدول ۳ و نمودار ۱، فراوانی نمونه‌ها بر حسب سن آورده شده است. در این تحقیق ۶ نژاد مختلف شرکت داشتند که به ترتیب شامل نژادهای مخلوط، ژرمن شپرد، گریت‌دین، دوبرمن، تریر و اشیپتزر بودند که در جدول ۴ و نمودار ۲ آورده شده است. همچنین فراوانی نمونه‌ها بر اساس نحوه نگهداری، در جدول ۵ آورده شده است.

فراوانی نمونه‌ها بر اساس آلودگی به ارلیشیا کنیس در جدول ۶ آورده شده است.

محاسبات آماری

داده‌های بدست آمده از ۲۰۰ سگ مورد آزمایش، براساس فاکتورهای یادداشت برداری شده در این پژوهش، توسط نرم‌افزار SPSS نسخه ۲۶ و با استفاده از آزمون کای‌اسکوئر مورد تجزیه آماری قرار گرفتند. مقادیر P کمتر از ۰/۰۵ معنادار در نظر گرفته شد. برای رسم نمودارها از نرم افزار Excel استفاده گردید.

نتایج آمار توصیفی و تحلیلی

نحوه نگهداری

از نظر نحوه نگهداری بین ۲۰۰ نمونه مورد بررسی از لحاظ خانگی (۲۴ درصد) و یا ولگرد بودن (۷۶ درصد)، بین دو گروه سگ اختلاف معناداری بر اساس آزمون کای اسکوئر در سطح احتمال یک درصد وجود داشت (جدول ۵).

جنسیت

براساس جدول ۲ از نظر جنسیت بین ۲۰۰ نمونه مورد بررسی از لحاظ نر (۹۰ درصد) و ماده بودن (۱۰ درصد)، بین دو گروه سگ اختلاف معناداری بر اساس آزمون کای اسکوئر در سطح احتمال یک درصد وجود داشت.

سن:

از نظر فاکتور سن، اختلاف معناداری بر اساس آزمون کای اسکوئر در سطح احتمال یک درصد وجود داشت (جدول ۳)، بطوری که بیشترین فراوانی مربوط به سن دو تا چهار سال (۵۰ درصد) و کمترین مربوط به کمتر از دو سال و چهار تا شش سال (۱۰ درصد) بود.

نژاد

نتایج حاصله از بررسی نژادهای سگ نشان داد که در این پژوهش بیشترین نژاد سگ مربوط به نژاد مخلوط با فراوانی ۷۶ درصد و کمترین مربوط به نژاد گریت‌دین با فراوانی ۲ درصد می‌باشد. اختلاف معناداری در سطح احتمال یک درصد برای فاکتور نژاد سگ با استفاده از آزمون کای اسکوئر وجود دارد (جدول ۴).

آلودگی به باکتری ارلیشیا کنیس

از نظر آلودگی به باکتری ارلیشیا کنیس، نتایج نشان داد که فراوانی آلودگی به باکتری مذکور ۶ درصد و عدم آلودگی به ارلیشیا کنیس ۹۴ درصد می‌باشد. نتایج حاصله از آزمون کای اسکوئر حاکی از معناداری در سطح احتمال یک درصد بین دو گروه می‌باشد (جدول ۶).

نتایج حاصل از ستولوژی

در این پژوهش از ۲۰۰ سگ خونگیری انجام شد، که از این تعداد، ۱۴۱ نمونه (۷۰/۵ درصد) دارای هماتوکریتی با میانگینی بالای ۰/۳۷ بودند و ۵۹ نمونه (۲۹/۵ درصد) میانگین هماتوکریتی کمتر از ۰/۳۶ را دارا بودند. در سگ‌های فاقد آلودگی به ارلیشیا کنیس میزان هماتوکریت بین ۰/۱۵ تا ۰/۷۶ L/L (۷۶-۱۵ درصد) و سگ‌های آلوده به ارلیشیا هماتوکریتی حدود ۰/۱۲ و ۰/۱۴ L/L (۱۲ و ۱۴ درصد) بود.

از ۲۰۰ سگ مورد آزمایش در این پژوهش، در ۱۸۰ سگ (۹۰ درصد) تعداد پلاکت در محدوده طبیعی (۹۰۰×۱۰^۹-۶۱۰×۱۰^۹) و در ۲۰ سگ (۱۰ درصد) ترومبوسایتونی (۳۳×۱۰^۹-۳۱) تشخیص داده شد. از ۲۰۰ سگ مورد آزمایش در این پژوهش در ۱۷۴ سگ (۸۷ درصد) تعداد گلبول‌های سفید

کلیه سگ‌هایی که در معاینات بالینی خود تاریخچه آلودگی به کنه داشتند جهت نمونه‌گیری انتخاب شدند. کنه‌های قابل مشاهده از سطح بدن سگ‌های آلوده جمع‌آوری شدند و پس از ثبت مشخصات بیمار، جهت تشخیص گونه به آزمایشگاه انگل‌شناسی ارسال شدند. سپس کنه‌ها براساس گونه دسته‌بندی شده و در ظرف حاوی الکل ۷۰ درصد و در دمای ۴ درجه سانتی‌گراد قرار گرفتند (۱۰ محفظه پلاستیکی تهیه گردید و به طور متوسط در هر محفظه پلاستیکی ۵ کنه گذاشته شد).

۵۰ کنه جدا شده از ۳۶ عدد سگ آلوده، که در مراحل مختلف بالغ و نوجه از بدن سگ‌ها برداشته شده بود بر اساس بررسی مورفولوژیکی که در آزمایشگاه انگل‌شناسی انجام شده بود، که تمامی ۵۰ کنه جدا شده کنه قهوه‌ای سگ (ریبی سفالوس سنگوینوس) تشخیص داده شدند. همان طور که در بخش روش کار ذکر شد کنه‌های مورد نظر از ۳۶ سگ مختلف جداسازی و به ۱۰ محفظه پلاستیکی ۵ تایی مختلف تقسیم شد که بر اساس نتایج استخراج DNA و آزمایش PCR بدست آمده ۳ کنه موجود در ۲ محفظه پلاستیکی متفاوت از نظر ارلیشیا مثبت بوده و حضور قطعه ۶۶۵ bp نشانگر آلودگی به گونه‌ای از اجرام ارلیشیایی بود (تصویر ۱). این سه کنه از یک سگ نر دوساله و نیم نژاد مخلوط و دو سگ شش ساله نر از نژاد مخلوط که برای نگهداری در خارج از منزل نگهداری می‌شدند جدا گردید.

در محدوده طبیعی ($10^9 \times 10^9 - 10^6$)، ۱۰ سگ (۵ درصد) لوکوپنی ($10^9 \times 10^3 - 10^3$) و ۱۶ سگ (۸ درصد) لوکوسیتوز ($10^9 \times 10^6 - 10^2$) داشتند. در شمارش گلبول سفید تمامی ۲۰۰ سگ، ۱۵۹ نمونه (۷۹/۵ درصد) دارای نوتروفیل طبیعی ($10^9 \times 10^5 - 10^5$) بودند. ۱۸ نمونه (۹ درصد) نوتروپنی ($10^9 \times 10^4 - 10^2$) و ۲۳ نمونه (۱۱/۵ درصد) نوتروفیلی ($10^9 \times 10^7 - 10^7$) داشتند.

از ۲۰۰ سگ مورد آزمایش در این پژوهش ۳۶ نمونه (۱۸ درصد) آلوده به کنه بودند. کنه‌های قابل مشاهده از سطح بدن سگ‌های آلوده جمع‌آوری شدند و پس از ثبت مشخصات بیمار، جهت تشخیص گونه به آزمایشگاه انگل‌شناسی ارسال شدند که در آزمایشگاه انگل‌شناسی تمامی کنه‌ها، کنه قهوه‌ای سگ (ریبی سفالوس سنگوینوس) تشخیص داده شدند (جدول ۲ و نمودار ۳).

محدودیت‌ها

ارلیشیا کنیس از لحاظ آنتی‌ژنتیکی با ارلیشیا آوینجی و ارلیشیا شافنسیس، که هر دو به عنوان پاتوژن‌های سگ‌سانان شناخته شده‌اند، ارتباط تنگاتنگ دارد. بنابراین تفریق بین این عوامل صرفاً با استفاده از تیتراژ IFAT و ELISA و بدون جداسازی عامل از طریق کشت و PCR ممکن نیست به همین منظور جهت تایید نتایج سرولوژیکی از تست‌های مثبت سرولوژی آزمایش PCR گرفته شد.

آزمایش مولکولی جهت تایید نتایج آزمایش

جدول ۱: مراحل و تعداد سیکل‌های واکنش PCR

زمان	دما (°C)	سیکل زنجیره پلی‌مراز	
۵ دقیقه	۹۴	مرحله واسرشتی اولیه	۱ سیکل
۳۰ ثانیه	۹۴	واسرشتی	۴۰ سیکل
۳۰ ثانیه	۵۲	اتصال	
۴۰ ثانیه	۷۲	بسط	۱ سیکل
۵ دقیقه	۷۲	بسط نهایی	

جدول ۲: تعداد و درصد فراوانی نسبی آزمودنی‌ها بر اساس جنسیت و مقایسه با آزمون کای اسکوئر

جنسیت	تعداد	فراوانی نسبی	نتیجه آزمون کای اسکوئر
سگ نر	۱۸۰	۹۰	$X^2=۳.۴۳^{**}$ $Df=۱$ $P=۰/۰۰۰$
سگ ماده	۲۰	۱۰	
مجموع	۲۰۰	۱۰۰	

جدول ۳: تعداد و درصد فراوانی نسبی آزمودنی‌ها بر اساس سن و مقایسه با آزمون کای اسکوئر

سن	تعداد	فراوانی نسبی	نتیجه آزمون کای اسکوئر
کمتر از دو سال	۲۰	۱۰	$X^2=۲۳^{**}$ $Df=۳$ $P=۰/۰۰۰$
دو تا چهار سال	۱۰۰	۵۰	
چهار تا شش سال	۲۰	۱۰	
شش سال به بالا	۶۰	۳۰	
مجموع	۲۰۰	۱۰۰	

جدول ۴: تعداد و درصد فراوانی نسبی آزمودنی‌ها بر اساس نژاد و مقایسه با آزمون کای اسکوئر

نژاد سگ	تعداد	فراوانی نسبی	نتیجه آزمون کای اسکوئر
گربت دین	۲	۱	$X^2=۷.۰۸^{**}$ $Df=۳$ $P=۰/۰۰۰$
دوبرمن	۴	۲	
تریر	۴۸	۲۴	
اشپیتز	۶	۳	
ژرمن شپرد	۴۰	۲۰	
نژاد مخلوط	۱۰۰	۵۰	
مجموع	۲۰۰	۱۰۰	

جدول ۵: تعداد و درصد فراوانی نسبی آزمودنی‌ها بر اساس نحوه نگهداری و مقایسه با آزمون کای اسکوئر

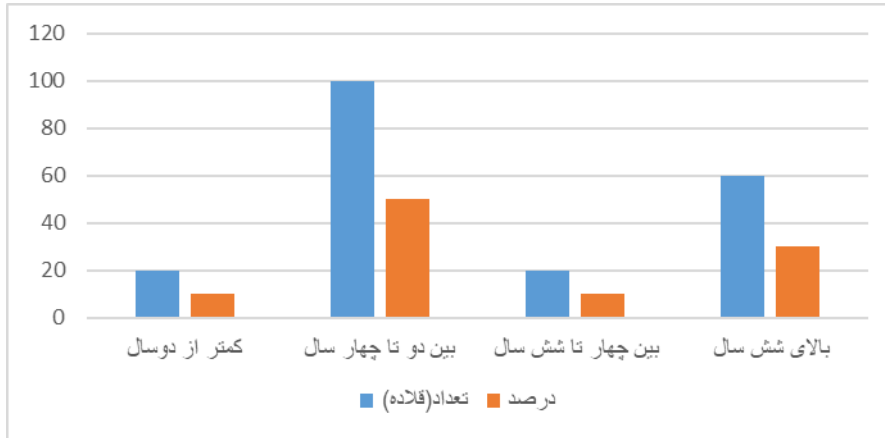
نحوه نگهداری	تعداد	فراوانی نسبی	نتیجه آزمون کای اسکوئر
سگ خانگی	۴۸	۲۴	$X^2=۱۲/۵^{**}$ $Df=۱$ $P=۰/۰۰۰$
سگ ولگرد	۱۵۲	۷۶	
مجموع	۲۰۰	۱۰۰	

جدول ۶: تعداد و درصد فراوانی نسبی آزمودنی‌ها بر اساس آلودگی به باکتری ارلیشیا کنیس و مقایسه با آزمون کای اسکوئر

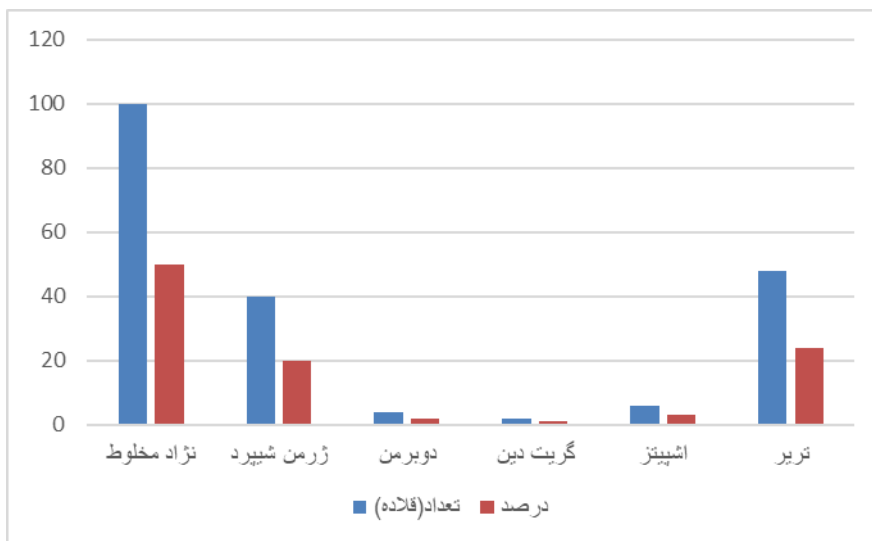
آلودگی باکتریایی	تعداد	فراوانی نسبی	نتیجه آزمون کای اسکوئر
آلوده به ارلیشیا کنیس	۳	۶	$X^2-۳۶/۹۸^{**}$ $Df=۱$ $P=۰/۰۰۰$
عدم آلودگی به ارلیشیا کنیس	۱۹۷	۹۴	
مجموع	۲۰۰	۱۰۰	

جدول ۷: فراوانی نمونه‌ها بر حسب آلودگی به کنه

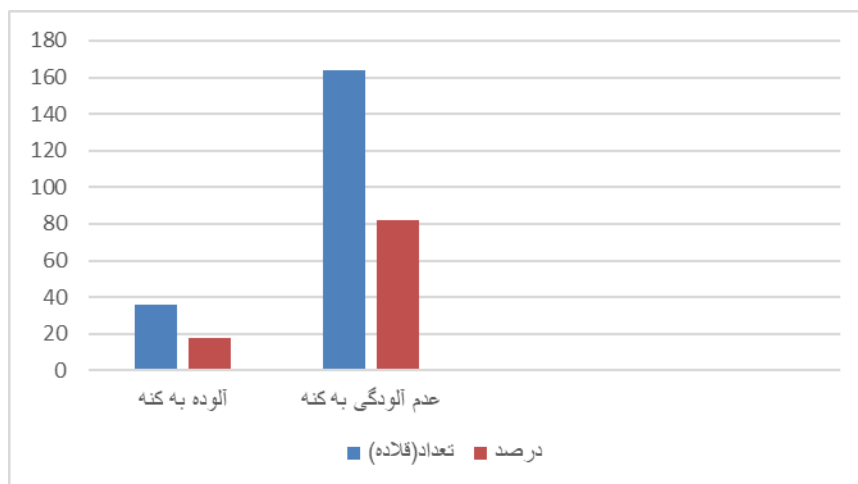
آلودگی به کنه	تعداد	درصد
آلوده به کنه	۳۶	۱۸
عدم آلودگی به کنه	۱۶۴	۸۲
مجموع	۲۰۰	۱۰۰



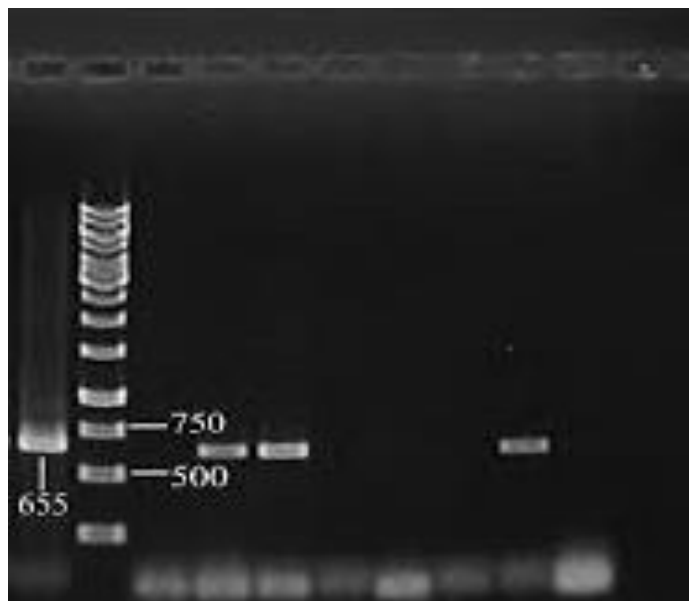
نمودار ۱: توزیع فراوانی نمونه‌ها براساس سن



نمودار ۲: توزیع فراوانی نمونه‌ها براساس نژاد



نمودار ۳: فراوانی نمونه‌ها بر حسب آلودگی به کنه



تصویر ۱: بارگذاری نمونه‌های مثبت در آزمون زنجیره پلی مرز
 ۲M مارکر (۱۰۰bp)، C: کنترل مثبت، C: کنترل منفی، S1-S5: نمونه‌های بررسی شده
 *در تصویر ۱ نمونه‌های S1، S3، S5 مربوط به محفظه پلاستیکی آلوده به کنه بودند

بحث

و مولکولی دانست. همچنین بایستی توجه داشت که مثبت شدن نتایج در تست های سرولوژی به ویژه الایزا و منفی شدن همان نمونه در تست گسترش خونی نشان دهنده آن است که سگ به فاز مزمن بیماری مبتلا می‌باشد.

با بررسی مقالات مشخص گردید که تاکنون مطالعات اندکی در داخل کشور در مورد شیوع *ارلیشیا کنیس* صورت پذیرفته است. حسینی و تهرانی (۲۰۲۲) در مطالعه‌ای به بررسی مولکولی *ارلیشیا کنیس* در سگ‌های نگهبان شهر اصفهان پرداختند و گزارش نمودند که ۱۳ نمونه (۱۴/۱۲ درصد) از نظر مولکولی مثبت شد که شامل هفت سگ نر (۸۴/۵۳ درصد) و شش ماده (۱۵/۴۶ درصد) بود. تغییرات هماتولوژیک در نمونه‌های آلوده قابل تشخیص نبود (حسینی و طهرانی، ۲۰۲۲). صفار بنیس و همکاران (۲۰۲۱) در مطالعه‌ای با ردیابی مولکولی *ارلیشیا* در نمونه های خون سگ‌های ارجاعی به کلینیک های شهر سمنان گزارش نمودند که از کل تعداد نمونه‌های ارجاعی تعداد ۳۵ نمونه از نظر *آناپلازما تاسه* مثبت بودند که ۲۱ نمونه نر و ۱۴ نمونه ماده بودند ولی در ردیابی ژنوم مربوط به جنس *ارلیشیا* هیچ نمونه‌ای

ارلیشیا کنیس باکتری گرم منفی چندشکلی و اجباری داخل سلولی است که مونوسیت‌های جریان خون را آلوده کرده و بیماری *ارلیشیا* مونوسیتی سگ‌سانان را ایجاد می‌کند (عزیز و همکاران، ۲۰۲۲). این ارگانیسیم از طریق کنه قهوه‌ای سگ (*رپی‌سفالوس سنگوینوس*) منتقل می‌شود. *ارلیشیا کنیس*، سگ‌سانان وحشی و اهلی را آلوده می‌نماید (ژنگ و همکاران، ۲۰۱۷). کایوت، روباه، شغال و سگ‌های اهلی میزبانان مخزن هستند. اکثر موارد بیماری در فصل گرم سال که کنه‌های حامل فراوان هستند، اتفاق می‌افتد. پراکنده‌گی *ارلیشیا* سگ‌ها به پراکنده‌گی و انتشار کنه‌های حامل بستگی دارد ولی بیشتر در مناطق گرمسیری و نیمه‌گرمسیری مشاهده می‌شود (منگفان و همکاران، ۲۰۲۰). با این حال نتایج مطالعه حاضر بیانگر آن بود که شیوع *ارلیشیا کنیس* در سگ‌های شیراز چندان قابل توجه نمی‌باشد.

از ۲۰۰ نمونه اسلاید تهیه شده و رنگ آمیزی شده به وسیله رنگ گیمسا مواردی از آلودگی *ارلیشیا کنیس* در بررسی‌های خونی در این پژوهش مشاهده نگردید. این تفاوت را می‌توان به حساسیت بسیار پایین روش بررسی گسترش خونی نسبت به روش‌های سرولوژی

مثبت تعیین نشد (صفار بنیس و همکاران، ۲۰۲۱). معاذی و همکاران (۱۳۹۲) شیوع اریلیشیا در سگ‌ها را به صورت میانگین ۳۰،۷ درصد گزارش نمودند (معاذی و همکاران، ۱۳۹۲). جعفری و همکاران (۱۹۹۷) با مطالعه بر روی ۱۸۰ قلاده سگ در شیراز، آلودگی ۱۷ قلاده سگ (۹/۴۴ درصد) به اریلیشیا کنیس را گزارش کردند (جعفری و همکاران، ۱۹۹۷). نتایج ارزیابی هماتولوژی، بیوشیمیایی و سرولوژی IFAT عصری و همکاران (۲۰۰۱) در آذربایجان بر روی نمونه های ۹۸۰ قلاده سگ (شامل ۵۰۵ سگ اهلی، ۴۷۵ سگ وحشی) در آذربایجان غربی و ۸۲۰ قلاده سگ (۵۲۰ سگ اهلی، ۳۰۰ سگ وحشی) در آذربایجان شرقی نشان داد به ترتیب ۶۷ درصد از سگ‌های وحشی و ۳۸ درصد از سگ‌های اهلی در آذربایجان غربی و نیز ۵۸ درصد از سگ‌های وحشی و ۳۹ درصد از سگ‌های اهلی در آذربایجان شرقی، دارای تیترا مثبت اریلیشیا کنیس بودند. سوبه‌های شناسایی شده در این مطالعه عبارت اند از: اریلیشیا کنیس (۷۵ درصد)، اریلیشیا پلاتیس (۲۰ درصد) و اریلیشیا اکوئی (۵ درصد). در برخی از سگ‌های مورد مطالعه، عفونت هم زمان با چند سوبه و هم چنین آلودگی با تک‌یاخته لیشمانیا مشاهده شده است. در مطالعه ی دیگری که توسط اختردانش و همکاران (۲۰۰۹) در شهر کرمان (جنوب ایران) انجام پذیرفته است، شیوع سرمی اریلیشیا کنیس در جمعیت ۱۲۳ قلاده سگ مراجعه کرده به درمانگاه دانشکدهی دامپزشکی دانشگاه کرمان مجموعاً ۶۳/۱۴ درصد (۱۷ قلاده سگ) مثبت گزارش شده است. در این مطالعه از دو روش آزمایشگاهی IFA و ICA استفاده شده است؛ شیوع سرمی اریلیشیا کنیس با این دو روش به ترتیب ۸/۱۳ درصد و ۸/۱ درصد گزارش گردیده است. در این مطالعه در ۶۶/۱۶ درصد از سگ‌های آلوده، مورولا‌های اریلیشیا کنیس در مونوسیت‌ها نیز مشاهده شدند (اختردانش و همکاران، ۲۰۱۰). نتایج مطالعات گوناگون حاکی از شیوع بسیار متفاوت اریلیشیا در سگ‌های مناطق مختلف است و عواملی نظیر بهداشت و تراکم محل زندگی سگ‌ها و محیطی تاثیر بسزایی در شیوع بیماری در سگ‌ها دارد. نتایج بدست آمده در مطالعه حاضر بیانگر آن بود که سن تاثیر قابل توجهی بر شیوع اریلیشیا در سگ‌های

مورد مطالعه داشت؛ به نحوی که آلودگی در سگ‌های مسن (بالای ۴ سال) به صورت معناداری بیشتر از سگ‌های جوان بود. در مطالعه‌ی صورت گرفته در اهواز، میزان شیوع اریلیشیا کنیس در سگ‌های بالغ (بیشتر از ۳ سال؛ ۱۸/۱۶ درصد و ۱ تا ۳ سال؛ ۸۶/۱۱ درصد) در مقایسه با سگ‌های جوان (کم تر از ۱ سال) بیشتر بوده است. همچنین در بررسی صورت گرفته توسط اختردانش و همکاران (۲۰۰۹) در کرمان رابطه‌ی معنادار بین سن و نتایج سرمی مثبت مشاهده شده است (اختردانش و همکاران، ۲۰۰۹). رودریگز و همکاران (۲۰۰۵) رخداد عفونت را در سگ‌های بالاتر از ۲ سال و همچنین کوستا و همکاران (۲۰۰۵) در سگ‌های بالاتر از ۵ سال، گزارش کردند (رودریگز و همکاران، ۲۰۰۵؛ مورفی و همکاران، ۱۹۹۸). افزایش میزان شیوع آلودگی به اریلیشیا کنیس در سنین بالاتر را می‌توان به علت امکان تماس بیشتر با کنه مرتبط دانست. با این حال، در مطالعات بسیاری، سن با سطح پادتن علیه اریلیشیا کنیس در ارتباط نبوده است. نتایج بدست آمده در مطالعه حاضر بیانگر آن بود که جنسیت و نژاد تاثیر معناداری بر شیوع اریلیشیا در سگ‌های مورد مطالعه نداشت. در مطالعه صورت گرفته توسط آویزه و همکاران (۲۰۰۹). در اهواز، سگ‌های نر به میزان ۶۲/۱ درصد و سگ‌های ماده به میزان ۸/۲۴ درصد آلوده بودند اما تفاوت معنادار بین شیوع بیماری و جنسیت مشاهده نشده است. هم چنین در بررسی صورت گرفته در کرمان (۲۰۰۹) رابطه‌ی معناداری بین جنسیت ($p = 0,22$) و نژادهای مختلف ($p = 0,43$) و حضور پادتن اریلیشیا کنیس به دست نیامده است. هاروس و همکاران (۱۹۹۷) بیان داشتند که نژاد ژرمن شپرد پیش‌آگهی ضعیفی در آلودگی با اریلیشیا کنیس دارد (هاروس و همکاران، ۱۹۹۷). کوستا و همکاران (۲۰۰۷) ارتباط معناداری بین وقوع بیماری با نژادهای غیر اصیل و دورگه و جنس نر گزارش کردند. اما نتایج متفاوت با این تحقیقات را اینوکوما و همکاران (۱۹۹۹)، ام قیربی و همکاران (۲۰۰۰)، هرناندز و همکاران گزارش نمودند (هرناندز و همکاران، ۲۰۰۵). در واقع در توجیه نتایج مطالعه حاضر باید عنوان نمود که علت شیوع اریلیشیا در سگ‌ها به دلیل شرایط محیطی و میزان و نحوه تماس سگ‌ها با منابع آلودگی بستگی دارد.

بنابراین فاکتورهایی نظیر جنسیت و نژاد تاثیری بر بروز بیماری ندارند و در صورت مساعد بودن شرایط رشد کنه‌ها به عنوان ناقلین بیماری و زندگی متراکم و عدم توجه به بهداشت محیط، می‌تواند همه سگ‌ها را فارغ از نژاد و جنس درگیر نماید (عزیز و همکاران، ۲۰۲۲). نتایج مطالعه حاضر بیانگر آن بود که ارتباط معناداری بین شیوع ارلیشیا و تغییرات هماتولوژیکی مشاهده نشد که علت آن احتمالاً به دلیل شیوع کم بیماری در این پژوهش و در نتیجه اطلاعات کم بدست‌آمده در این زمینه باشد. با این حال اگر نمونه‌های بیشتر جهت بررسی وجود داشت، احتمالاً تغییرات خونی به صورت مشهود قابل ارزیابی بود. در مطالعه‌ی انجام شده توسط آویزه و همکاران (۲۰۰۹) در اهواز میزان شیوع ارلیشیوز در سگ‌های دارای ترومبوسایتوپنی بیشتر بوده است (آویزه و همکاران، ۲۰۰۹). نمونه‌ی آلوده به *ارلیشیا کنیس* از مجموع ۲۴ سگ دارای ترومبوسایتوپنی ۲۰/۸۳ درصد بود، اما تفاوت معناداری بین ترومبوسایتوپنی و نتایج سرمی مثبت مشاهده نگردیده است. در مطالعه اختردانش (۲۰۱۰) از ۱۹ قلاده سگ آلوده، ۶ نمونه (۵۸/۳۱ درصد) دچار کم‌خونی و ۵ نمونه (۲۶/۳۲ درصد) مبتلا به لوکوپنی بوده‌اند و ارتباط معناداری بین یافته‌های هماتولوژی و شیوع بیماری وجود نداشته است. در مطالعه صورت پذیرفته توسط اختردانش و همکاران (۲۰۰۹) از میان ۱۷ سگ دارای تیتسر سرمی مثبت، ۷ نمونه (۸/۳۸ درصد) ترومبوسایتوپنی، ۶ نمونه (۳/۳۳ درصد) کم‌خونی و ۸ نمونه (۴/۴۴ درصد) لوکوپنی داشته‌اند. در این مطالعه بررسی آماری نشان داد، گروهی که تیتسر IFAT بالاتر از ۱ به ۳۲۰ داشته‌اند، حضور ترومبوسایتوپنی ($p = 0,005$)، کم‌خونی ($p = 0,04$) و لوکوپنی ($p = 0,01$) به طور مشخص با نتایج سرمی مثبت در ارتباط بوده است (اختردانش و همکاران، ۲۰۰۹).

نتایج بدست‌آمده در مطالعه حاضر حاکی از آلودگی ۱۸ درصد از سگ‌ها با کنه ریپی سفالوس بود و در تمامی موارد کنه شناسایی شده ریپی سفالوس سنگوینوس بود. یکی از سگ‌های دارای تیتسر سرمی مثبت (۱:۱۶۰) نیز به این کنه آلوده بود. در مطالعه‌ی انجام شده در شیراز توسط جعفری و همکاران (۱۹۹۷)، کنه‌ی رایج جمع‌آوری شده از سگ‌های آلوده به

ارلیشیا کنیس، ریپی سفالوس سنگوینوس بوده است. هر چند در بسیاری از تحقیقات انجام شده در زمینه برآورد میزان آلودگی کنه‌ها به گونه‌های مختلف ارلیشیایی، تنوع گونه کنه، در محل بررسی مشاهده شده بود، اما در تحقیق حاضر تنها گونه‌ی ریپی سفالوس سنگوینوس بر روی بدن سگ‌ها مشاهده شد. در تحقیق کوا و همکاران در کشور چین گونه‌های آمیلیوما و همافیزلیس از بدن سگ‌ها جدا گردید و آلودگی به *ارلیشیا شافنسسیس* در این کنه‌ها اثبات شد (کوا و همکاران، ۲۰۰۰). ارلیشیوز ناشی از *ارلیشیا شافنسسیس* باعث ایجاد ارلیشیوز مونوسیتیک انسانی می‌شود، که گاهی اوقات بیماری تحت حاد و در مواردی شدید و کشنده می‌باشد. به نظر می‌رسد در مطالعات آتی در ایران، بهتر است که بررسی حضور اجرام ارلیشیایی در بدن کنه‌هایی که از مخازن حیوانی مختلف از جمله دام‌های بزرگ و حیوانات خانگی است، به صورت همزمان صورت گیرد. به صورت کلی، نتایج مطالعه حاضر بیانگر آن بود که تعداد بسیار اندکی از سگ‌های مورد بررسی به ارلیشیا کنیس آلوده بودند (۵، درصد). با این حال گزارش‌های داخل کشور موارد آلودگی بالاتری را گزارش نموده‌اند. بنابراین انجام مطالعات بیشتر در نواحی مختلف کشور باید مد نظر قرار داده شود. بنابراین، تعیین پراکندگی جغرافیایی این بیماری در جمعیت انسانی، دامی و کنه‌ها به عنوان مخزن اصلی بیماری به همراه تعیین گونه‌های مسبب این بیماری در ایران، جهت تعیین اهمیت بهداشت عمومی و ابداع روش‌های کنترل و پیشگیری بیماری الزامی است و انجام آن در مطالعات آتی توصیه می‌شود.



The serological study of the *Ehrlichia canis* in stray and household dogs in shiraz

Norozipour, M.^{1*}, Fatahi, H.².

Received: 05.07.2022

Accepted: 22.01.2023

Abstract

In recent years, the importance of research on the *Anaplasmataceae* family has increased. In this family, there is the genus *Ehrlichia*, which are obligate intracellular and zoonotic bacteria. The main carriers of these bacteria are ticks, which are common species of hard ticks that are mostly found all over the world, such as ticks. *Ixodes*, *Dermacentaur*, and *Repicephalus* cause bites and contamination of dogs and humans. Therefore, this study aimed to investigate the prevalence of *Ehrlichia canis* in domestic dogs in Shiraz. To carry out this study, sampling was done from the bodies of 36 tick-infested dogs that were kept outside the house. In the next step, DNA isolation and commercial PCR were done. IFAT results show a very low serum prevalence of anti-*E. canis* antibodies (3 dog collars; 1.5%). The prevalence of the *Rhipiscephalus sanguineus* in the studied dog population was reported to be 18% (36 dog collars). Based on the results of the PCR test, it was found that 3 out of 200 studied samples (1.5%) were positive for *Ehrlichia* species. In the present study, all 3 infected dogs had the *Rhipiscephalus sanguineus*, and in the examination of the peripheral blood smears of the tested dogs, *Ehrlichia canis* morulae was not found in the lymphocytes. Considering that some species of ehrlichiosis are considered as potential zoonoses, therefore, the role of infected dogs as potential sources of infection for humans is important due to the common aspects between humans and animals.

Keywords: *Ehrlichia canis*, tick, *repicephalus*, PCR, IFAT

1. Graduated with a doctorate in veterinary medicine, Islamic Azad University, Shushtar-Iran.

2. Assistant Professor, Department of Microbiology, Department of Veterinary Medicine, Faculty of Veterinary Medicine, Islamic Azad University, Kazerun Branch, Kazerun, Iran.

*Corresponding author: norozipormino@gmail.com

- اختردانش ب، عمادی ل، ایرانی ف. ۲۰۰۹. تشخیص مولکولی باکتری ارلیشیا در کنه های جداسده از سگ های شهر کرمان. پایان نامه دانشکده دامپزشکی کرمان، دانشگاه شهید باهنر کرمان، سال تحصیلی ۱۳۹۲. ۱: ۱-۱.
- حسینی س، حمزه علی طهرانی م. ۲۰۲۲. تشخیص مولکولی *Ehrlichia canis* در سگ های نگهبان شهر اصفهان، ایران، ۱-۱.
- صفار بنیس ا، سلیمی بجستانی م، استاجی ح. ۲۰۲۱. ردیابی مولکولی گونه *Ehrlichia ewingii* در نمونه های خون سگ های ارجاعی به کلینیک های شهر سمنان، ایران، مجله تحقیقات آزمایشگاهی دامپزشکی، ۱۲ (۱۸): ۱۶۴-۱۵۷.
- معادی ن، ملماسی ع، شایان پ. ۱۳۹۲. مطالعه مولکولی آلودگی به *Ehrlichia canis* در سگ های ترومبوسیتوپنیک، مجله تحقیقات دامپزشکی (دانشگاه تهران)، ۶۸ (۲): ۱۰۷-۱۱۲.
- Aguiar D.M.**, Zhang X., Melo A.L., Pacheco T.A., Meneses A.M., Zanutto M.S., Horta M.C., Santarém V.A., Camargo L.M., McBride J.W., et al. Genetic diversity of *Ehrlichia canis* in Brazil. *Vet. Microbiol.* 2013; **164**:315–321.
- Akhtardanesh B**, Ghanbarpour R, Blourizadeh H: Serological evidence of canine monocytic ehrlichiosis in Iran. *Comp Clin Patho* 2010; **19**(5): 469-474.
- Almazán C.**, González-Álvarez V.H., de Mera I.G.F., Cabezas-Cruz A., Rodríguez-Martínez R., de la Fuente J. Molecular identification and characterization of *Anaplasma platys* and *Ehrlichia canis* in dogs in Mexico. *Ticks Tick-Borne Dis.* 2016; **7**:276–283.
- Ansari-Mood M**, Khoshnegah J, Mohri M, Rajaei SM. Seroprevalence and Risk Factors of *Ehrlichia canis* Infection among Companion Dogs of Mashhad, North East of Iran, 2009-2010. *J Arthropod Borne Dis.* 2015 Mar 11; **9**(2):184-94.
- Aslan Ç.B.**, Çelik Özgür Y., Yılmaz A.B., Ayan A., Oruç Kılınc Ö., Özdemir R., Oktay Ayan Ö. Molecular Investigation and Phylogenetic Analysis of *Ehrlichia canis* in Dogs in Siirt, Turkey. *Turk. J. Agric.-Food Sci. Technol.* 2022; **10**:1832–1837.
- Aziz MU**, Hussain S, Song B, Ghauri HN, Zeb J, Sparagano OA. Ehrlichiosis in Dogs: A Comprehensive Review about the Pathogen and Its Vectors with Emphasis on South and East Asian Countries. *Vet Sci.* 2022 Dec 29; **10**(1):21.
- Beristain-Ruiz D.M.**, Garza-Hernández J.A., Figueroa-Millán J.V., Lira-Amaya J.J., Quezada-Casasola A., Ordoñez-López S., Laredo-Tiscareño S.V., Alvarado-Robles B., Castillo-Luna O.R., Floriano-López A., et al. Possible association between selected tick-borne pathogen prevalence and *Rhipicephalus sanguineus* sensu lato infestation in dogs from Juarez City (Chihuahua), Northwest Mexico–US border. *Pathogens.* 2022; **11**:552.
- Bezerra-Santos M.A.**, Nguyen V.L., Iatta R., Manoj R.R.S., Latrofa M.S., Hodžić A., Dantas-Torres F., Mendoza-Roldan J.A., Otranto D. Genetic variability of *Ehrlichia canis* TRP36 in ticks, dogs, and red foxes from Eurasia. *Vet. Microbiol.* 2021; **255**:109037.
- Cao WC**, Gao YM, Zhang PH, Zhang XT, Dai QH, Dumler JS, Fang LQ, Yang H. Identification of *Ehrlichia chaffeensis* by nested PCR in ticks from Southern China. *J Clin Microbiol.* 2000 Jul; **38**(7):2778-80.

- Eiras D.F.**, Craviotto M.B., Vezzani D., Eyal O., Baneth G. First description of natural *Ehrlichia canis* and *Anaplasma platys* infections in dogs from Argentina. *Comp. Immunol. Microbiol. Infect. Dis.* 2013; **36**:169–173.
- Harrus S**, Kass PH, Klement E, et al. Canine monocytic ehrlichiosis: a retrospective study of 100 cases, and an epidemiological investigation of prognostic indicators for the disease. *Vet Rec.* 1997; 4;**141(14)**:360-3.
- Hernandez MB**, Perez Diaz JV, Garcia SV, Garcia Pena FG. Comparison of The Prevalence of The Infection by *Leptospira* spp, *Leishmania infantum* and *Ehrlichia canis* in Dogs in the Comunidad Valencina (Spain). *J Epidemiol. et sent. anim.* 2005; **45**:83-86.
- Jafari S**, Gaur S.N.S, Hashemi A. Prevalence of *Ehrlichia Canis* in Dog Population of Shiraz, Fars Province of Iran. *J Animal Research.* 1997; **11(1)**:19-23.
- Luo H.**, Lan Y., Gan P., Zhou W., Wang M., Hu B., Zhang Z., Bai Y., Li K. Molecular Identification and Prevalence of *Ehrlichia Canis* and *Rhipicephalus Sanguineus* (Acari: Ixodidae) Infecting Pet Dogs in Wenzhou, China. *Pak. J. Zool.* 2021; **53**:2129.
- Mengfan Q.**, Lixia W., Ying L., Yan R., Kuojun C., Jinsheng Z., Zaichao Z., Weiwei Y., Yelong P., Xuepeng C., et al. Molecular Detection and Genetic Variability of *Ehrlichia Canis* in Pet Dogs in Xinjiang, China. *Vet. World.* 2020; **13**:916–922.
- Merino-Charrez O.**, Badillo-Moreno V., Loredano-Osti J., Barrios-García H., Carvajal-de la Fuente V. Molecular detection of *Ehrlichia canis* and *Anaplasma phagocytophilum* and hematological changes of infected dogs. *Abanico Vet.* 2021; **11**:1–16.
- Motaghipisheh S**, Akhtardanesh B, Ghanbarpour R, Aflatoonian MR, Khalili M, Nourollahifard SR, Mokhtari S. Ehrlichiosis in Household Dogs and Parasitized Ticks in Kerman-Iran: Preliminary Zoonotic Risk Assessment. *J Arthropod Borne Dis.* 2016 Jan 5; **10(2)**:245-51.
- Murphy GL**, Ewing SA, Whitworth LC, Fox JC, Kocan AA: A molecular and serologic survey of *Ehrlichia canis*, *E. chaffeensis* in dogs and ticks from Oklahoma. *Vet Parasitol* Nov 27 1998; **79(4)**: 325-339.
- Ojeda-Chi M.M.**, Rodriguez-Vivas R.I., Esteve-Gasent M.D., de León A.A.P., Modarelli J.J., Villegas-Perez S.L. *Ehrlichia canis* in dogs of Mexico: Prevalence, incidence, co-infection and factors associated. *Comp. Immunol. Microbiol. Infect. Dis.* 2019; **67**:101351.
- Rodriguez-Vivas RI**, Albornoz RE, Bolio GM . *Ehrlichia canis* in dogs in Yucatan, Mexico: seroprevalence, prevalence of infection and associated factors. *Vet Parasitol.* 2005; **127(1)**:75–79.
- Sainz Á.**, Roura X., Miró G., Estrada-Peña A., Kohn B., Harrus S., Solano-Gallego L. Guideline for Veterinary Practitioners on Canine Ehrlichiosis and Anaplasmosis in Europe. *Parasites Vectors.* 2015; 8:75.
- Taira M**, Ando S, Kawabata H, Fujita H, Kadosaka T, Sato H, Monma N, Ohashi N, Saijo M. Isolation and molecular detection of *Ehrlichia* species from ticks in western, central, and eastern Japan. *Ticks Tick Borne Dis.* 2019 Feb; **10(2)**:344-351.
- Xu D.**, Zhang J., Shi Z., Song C., Zheng X., Zhang Y., Hao Y., Dong H., Wei L., El-Mahallawy H.S., et al. Molecular Detection of Vector-Borne Agents in Dogs from Ten Provinces of China. *Parasites Vectors.* 2015; **8**:1–7.
- Yu D.H.**, Li Y.H., Yoon J.S., Lee J.H., Lee M.J., Yu I.J., Chae J.S., Park J.H. *Ehrlichia chaffeensis* Infection in Dogs in South Korea. *Vector-Borne Zoonotic Dis.* 2008; **8**:355–357.

Zhang J., Liu Q., Wang D., Li W., Beugnet F., Zhou J. Epidemiological Survey of Ticks and Tick-Borne Pathogens in Pet Dogs in South-Eastern China. *Parasite*. 2017; 24:35.

Zheng W., Liu M., Moumouni P.F.A., Liu X., Efstratiou A., Liu Z., Liu Y., Tao H., Guo H., Wang G., et al. First Molecular Detection of Tick-Borne Pathogens in Dogs from Jiangxi, China. *J. Vet. Med. Sci.* 2017; **79**:248–254.